Table 1. **Clinical characteristics of the patients (n=50).**

Age (yrs)	
Median (range)	49 (21-73)
< 60 yrs	34 patients
> 60 yrs	16 patients
Sex	
Male	33
Female	17
FAB subtype	
M0/M1/M2	8/13/9
M4/M5/M6	8/11/1
Cytogenetic risk group*	
Favorable	4
Intermediate	35
Unfavorable	5

* Dato disponibile in 44 pazienti su 50. In base alla classificazione MRC, i pazienti sono stati suddivisi in tre categorie di rischo:"***favorevole***"[i casi con t (8;21), t(15,17) o inv(16)/del (16q), indipendentemente dalla presenza di anomalie citogenetiche aggiuntive]; "***sfavorevole"*** [in assenza delle alterazioni favorevoli, con mutazioni citogenetiche complesse (in numero di 5 o più), -5,del(5q-),-7, o anomalie del cr.3]; "***intermedio***" [casi con cariotipo normale, alterazioni di 11q23, +8, del(7q), del(9q), cariotipo complesso (> 3 anomalie ma <5), o tutte le aberrazioni cromosomiche dal significato prognostico sconosciuto].

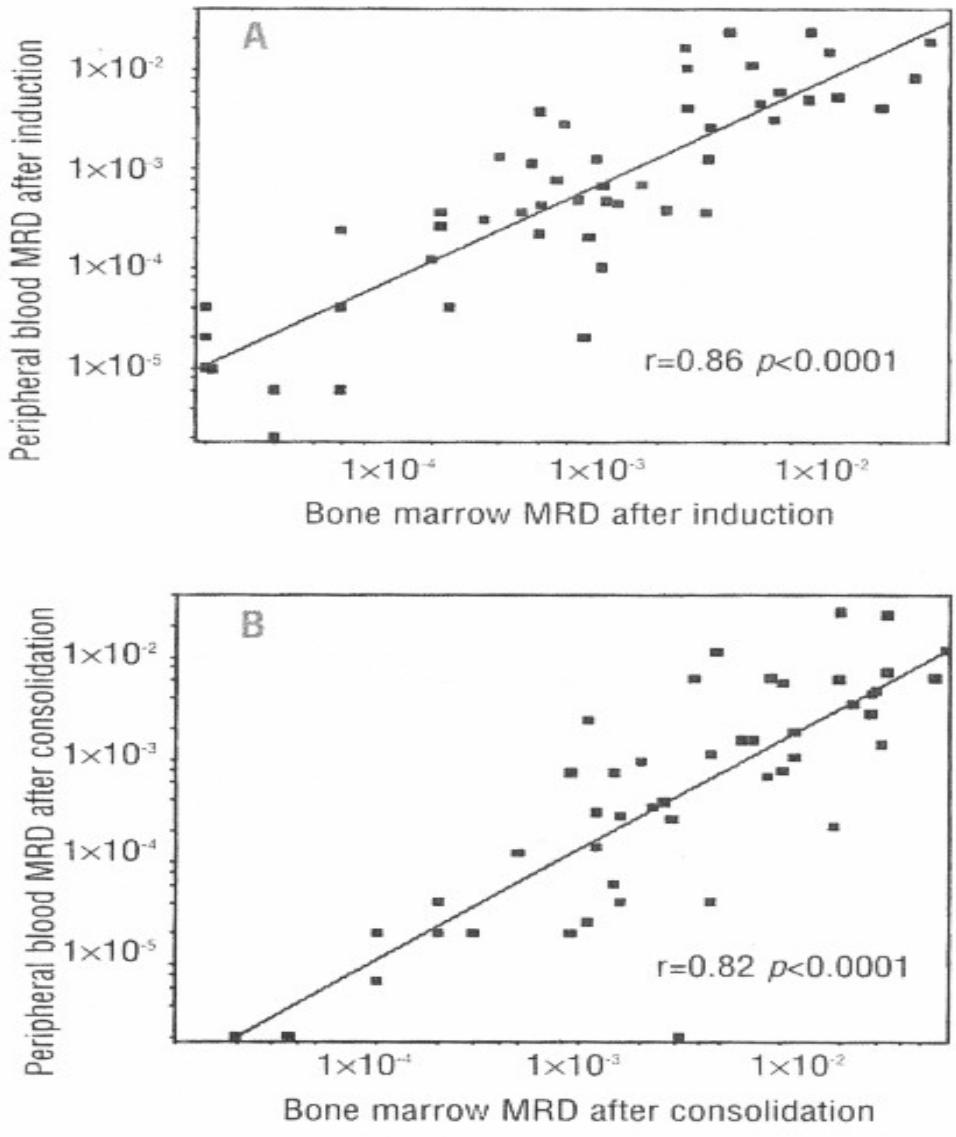

Figura (1A) e (1B).
Confronto trai livelli di MMR nel sangue periferico e midollare.
Sono illustrate le curve di regressione dei 50 campioni raccolti contemporaneamente dopo terapia di induzione (1A) e dei 40 campioni raccolti dopo consolidamento (1B): è stata riscontrata na correlazione statisticamente significativa.

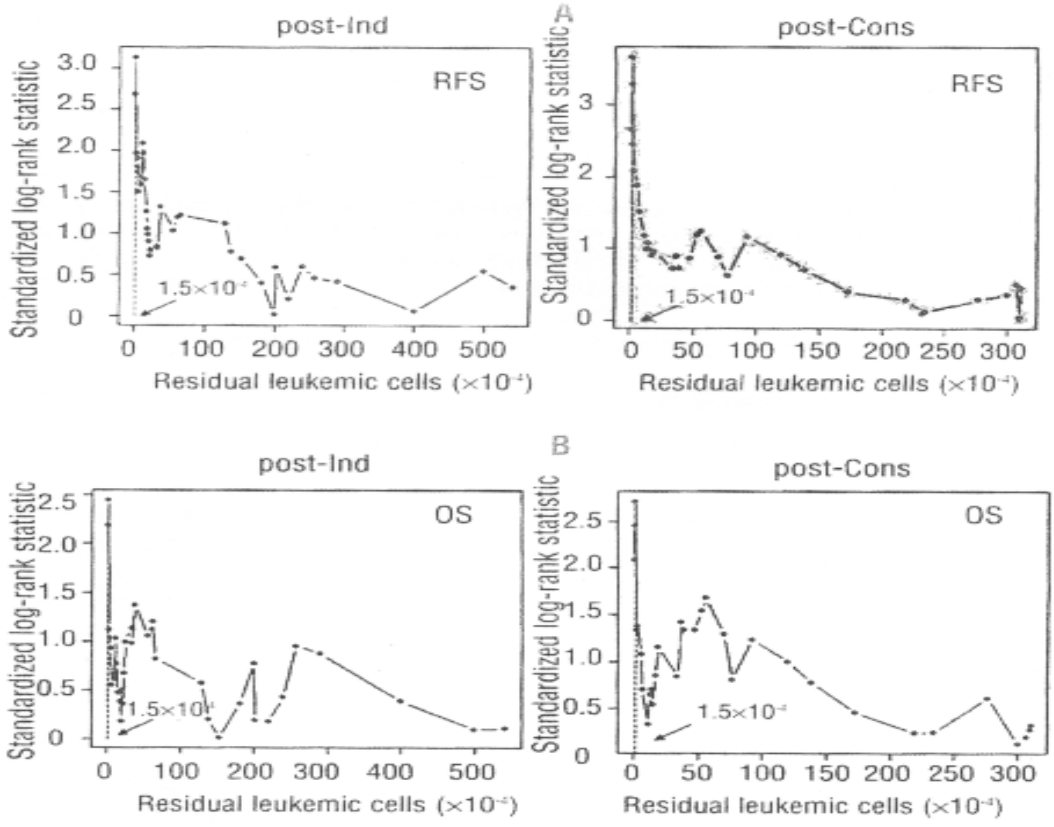

Figura 2. Detereminazione del cut-off di cellule leucemiche residue
Il valore di cut-off di cellule leucemiche residue nel sangue periferico con una correlazione statisticamente significativa è stato posto a 1.5x10-4 attraverso Maximally selected log-rank statistic, con conseguente identificazione di due gruppi differenti in termini di RFS e SG.

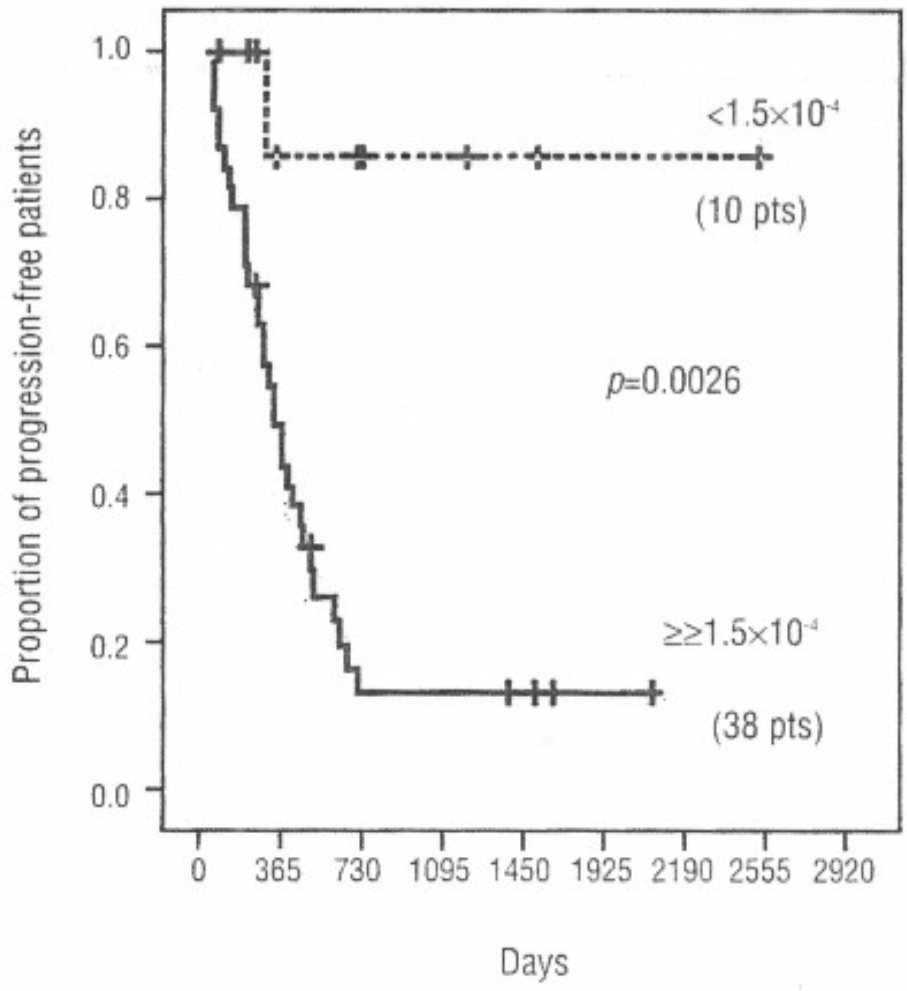

Figura 3. **Sopravvivenza libera da malattia (SLM) e MMR nel sangue periferico dopo terapia di consolidamento.**

Nei pazienti MRDCons+ (cellule leucemiche residue>$1.5x10^{-4}$) è stato osservato un valore mediano di SLR di 11 mesi, non raggiunto al contrario dai pazienti MRDCons-(cellule leucemiche residue<$1.5x10^{-4}$).

Variable	*p value*
A	
MDR1 phenotype	0.02
White blood cell count	0.05
Post-cons PB MRD status	0.002
Post-cons BM MRD status	0.02

Variable	*p value*
B	
MDR1 phenotype	NS
White blood cell count	NS
Post-cons PB MRD status	0.036

Variable	*p value*
C	
MDR1 phenotype	NS
White blood cell count	NS
Post-cons BM MRD status	0.04

MRD: minimal residual disease; Post-Cons: post consolidation, PB: peripheral blood; BM: bone marrow; MDR1: multidrug resistance; NS: not significant.

Tabella 2 A
Variabili significative in analisi univariata e multivariata in termini di SG e SLM.

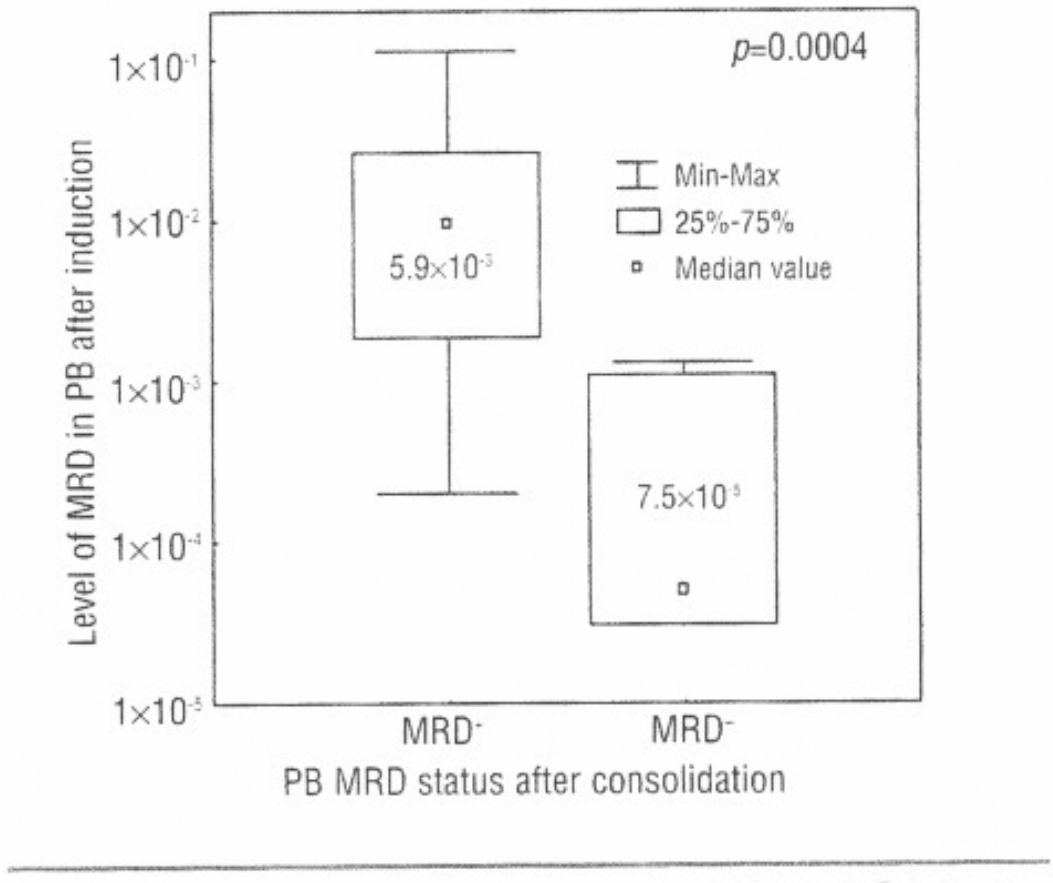

Figura 4. Correlazione tra i livelli di MMR nel sangue periferico dopo terapia di induzione e lo stato di MMR dopo consolidamento.
I pazienti con un'alta probabilità di diventare MRDCons- presentavano 2 logaritmi in meno di cellule leucemiche residue dopo terapia di induzione, rispetto ai pazienti MRDCons+.